



ЗНАЧЕНИЕ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНА IL17F HIS161ARG У ПАЦИЕНТОВ С ТЕЧЕНИЕМ ЯЗВЕННОГО КОЛИТА

Ёрлаев Н.Н.,
Мадатов К.А.,
Холматов У.У.,
Матмуратов С.К.

*Ташкентский государственный медицинский
университет, Ташкент, Узбекистан*

Язвенный колит (ЯК) занимает одну из лидирующих позиций среди болезней желудочно-кишечного тракта и продолжает оставаться серьезной проблемой гастроэнтерологии. Увеличение частоты заболеваемости ЯК, длительность и торпидность течения с периодически тяжелыми атаками, поражение лиц молодого возраста обуславливают важность углубленного изучения данной патологии. Согласно зарубежным данным, заболеваемость ЯК составляет от 0,6 до 24,3, а распространенность достигает 505 на 100 000 человек.

Цель исследования: изучить распределение полиморфного варианта гена IL17F His161Arg у пациентов с тяжелым течением язвенного колита.

Материалы и методы. В исследование включено 76 человек с ЯК, проживающих на территории Узбекистана. Контроль составили 80 здоровых добровольцев. Исследование генотипов проводилось методом ПЦР в режиме реального времени. Для статистической обработки использовали критерий χ^2 , отношение шансов (ОШ), бинарный логистический регрессионный анализ с вычислением 95% доверительного интервала (ДИ) при помощи программы «IBM SPSS Statistics Version 25.0».

Результаты. Наблюдаемые частоты аллелей и генотипов в выборках пациентов с неспецифическим язвенным колитом и здоровых лиц соответствуют ожидаемым значениям согласно закону Харди-Вайнберга. Мы обнаружили положительную ассоциацию IL17F His161Arg с распространенностью язвенного колита ($\chi^2 = 4.49$, $p = 0.034$ для генотипа и $\chi^2 = 6.22$, $p = 0.013$ для аллелей). У гомозигот His/His шансы развития заболевания в 3,2 раза выше, чем у носителей других полиморфных вариантов ($\chi^2 = 6.22$, $p = 0.013$). Результаты бинарной логистической регрессии демонстрировали, что гомозиготный генотип IL17F His161Arg являлись предикторами неблагоприятного прогноза ЯК.

Заключение. Связи возраста дебюта заболевания, полиморфного варианта IL17F His161Arg с развитием и клиническими проявлениями ЯК выявлено. У гомозигот His/His заболевание развивалось в 3,2 раза чаще, чем у носителей других генотипов.